

## GARANTÍA

BIOTOOLS garantiza la conformidad de los productos con la cantidad y contenido indicado en el vial y etiquetas exteriores durante su periodo de vida media. La obligación de BIOTOOLS y los derechos del comprador bajo esta garantía están limitados bien al reemplazo por parte de BIOTOOLS de cualquier producto que sea deficiente en fabricación, y que deberá ser retornado a BIOTOOLS (portes pagados) o a opción de BIOTOOLS, devolución del precio de adquisición. Las reclamaciones por mercancía dañada durante el transporte han de ser dirigidas al transportista.

Este producto debe ser utilizado únicamente por profesionales cualificados y para uso exclusivo en investigación. Es la responsabilidad del usuario asegurarse que un producto determinado es adecuado para una aplicación determinada. Cualquier producto que no cumpla con las especificaciones indicadas en la hoja informativa de producto será reemplazado. Esta garantía limita nuestra responsabilidad al reemplazo del producto. Ninguna otra garantía, de ningún tipo, expresa o implícita, incluyendo, sin limitación, garantías implícitas de capacidad de comercialización o adecuación para un propósito determinado, son dadas por BIOTOOLS. BIOTOOLS no tendrá responsabilidad sobre ningún daño directo, indirecto, consecuencia o incidental resultante del uso, mal uso, los resultados del uso o la incapacidad de uso de ningún producto.

### Fabricado por:

BIOTOOLS, Biotechnological & Medical Laboratories, S.A. han sido evaluados y certificados en cuanto a cumplimiento de los requisitos de la ISO 9001:2008 para las siguientes actividades: investigación y desarrollo de productos de biotecnología, fabricación de productos de biotecnología y fabricación de productos para diagnóstico in vitro (IVDs). Valle de Tobalina – 52 – Nave 39, 28021 Madrid – Spain

© 2009 BIOTOOLS, Biotechnological & Medical Laboratories, S.A. Todos los derechos reservados

**BIOTOOLS**  
BIOTOOLS B & M LABS. S.A.

BIOTOOLS B&M Labs, S.A.  
Valle de Tobalina - 52 - Nave 39  
28021 Madrid  
Spain

Tel. (34) 91 710 00 74  
Fax (34) 91 505 31 18  
E-mail: [info@biotools.eu](mailto:info@biotools.eu)  
[www.biotools.eu](http://www.biotools.eu)



**BIOTOOLS**

BIOTOOLS B & M LABS. S.A.

## QUANTIMIX EASY KIT

**Kit para amplificación y cuantificación de ADN en Tiempo Real para ser utilizado con fluoróforos intercalantes**

REF.	FORMATO	CONTENIDO
10.607	100 rxn	Quantimix Easy Kit
10.608	200 rxn	Quantimix Easy Kit
10.609	500 rxn	Quantimix Easy Kit
10.606	1000 rxn	Quantimix Easy Kit

Almacenar a -20°C

### Uso exclusivo en investigación. No para uso en procedimientos diagnósticos

**Aviso a usuarios:** Algunas de las aplicaciones que pueden llevarse a cabo con este producto están cubiertas por patentes aplicables en ciertos países. La adquisición de este producto no incluye o provee de una licencia para realizar aplicaciones patentadas. En algunos casos, los usuarios tienen la obligación de adquirir una licencia, dependiendo del país y/o la aplicación.

Ed. 07 – Febrero 2016

## 1. DESCRIPCIÓN

El **QUANTIMIX EASY KIT** es una *master mix* universal optimizada para conseguir la máxima eficiencia, precisión y sensibilidad en reacciones de amplificación en tiempo real utilizando SYBR® Green I.

En el **QUANTIMIX EASY Kit** la señal fluorescente es generada por el intercalado inespecífico de las moléculas de SYBR® Green I en los productos de ADN de cadena doble. En la fase exponencial de la amplificación existe una correlación entre la cantidad de producto amplificado y la masa del ADN molde; y el nivel de fluorescencia generado es proporcional al producto amplificado en cada ciclo.

**QUANTIMIX EASY KIT** es una *Master Mix 2X* (**QUANTIMIX EASY MASTER MIX**), que contiene Biotools DNA Polymerase, los cuatro dNTPs, MgCl<sub>2</sub>, buffer de reacción y SYBR® Green I. La utilización de la *Master Mix* facilita la manipulación reduciendo tanto el tiempo de operación como las etapas de pipeteo. La mezcla **QUANTIMIX EASY MASTER MIX** incluye todos los componentes de reacción, excepto el ADN y los primers.

Este kit es compatible con termocicladores en tiempo real que utilizan tubos de reacción estándar, así como aquellos que utilizan capilares.

## 2. REACTIVOS INCLUIDOS EN EL KIT

- **QUANTIMIX EASY MASTER MIX:** Es una solución 2X lista para su uso que contiene todos los componentes para llevar a cabo la amplificación en tiempo real: Biotools DNA Polymerase, dNTPs, Buffer de Reacción, SYBR® Green I y MgCl<sub>2</sub> a la concentración óptima (4 mM final).
- **50 mM MgCl<sub>2</sub> Solution:** Su uso sólo está indicado para reacciones de amplificación específicas que requieran optimización adicional.

## 3. MANIPULACIÓN Y ALMACENAMIENTO

Almacenar todos los componentes del **QUANTIMIX EASY Kit** a **-20°C** en un congelador que garantice una temperatura constante (no se recomiendan congeladores *frost-free*). Todos los reactivos deben ser descongelados y manipulados en hielo. Para uso frecuente del kit se recomienda realizar alícuotas a fin de evitar ciclos frecuentes de congelamiento/descongelamiento.

- **QUANTIMIX EASY MASTER MIX:** Solución **fotosensible**, conservar en **oscuridad**. Mezclar antes de usar.
- **MgCl<sub>2</sub>:** Mezclar exhaustivamente antes de usar.

Si el kit se manipula y conserva siguiendo estas recomendaciones, su estabilidad será la indicada en la etiqueta correspondiente.

## 4. CONSIDERACIONES GENERALES

**Molde:** La calidad del ADN molde es clave para la obtención de resultados óptimos en la reacción de amplificación en tiempo real. Si bien el ADN purificado por los métodos estándares suele resultar adecuado para su amplificación en tiempo real, numerosos componentes como detergentes iónicos, colorantes, y fenoles, entre otros, pueden inhibir la reacción de amplificación.

En caso de utilizar métodos con matriz de sílice para la purificación del ADN molde, asegurarse de eliminar completamente las partículas de sílice en la muestra ya que ésta inhibe la amplificación y la lectura de fluorescencia. Biotools recomienda su línea de productos Speedtools para la extracción y purificación de ADN genómico a partir de sangre (*Speedtools DNA Extraction Kit*), de tejido (*Speedtools Tissue DNA Extraction Kit*), de comida (*Speedtools Food DNA Extraction Kit*) y de plantas (*Speedtools Plant DNA Extraction Kit*).

Se recomienda transportar las muestras de ADN en frío ya que la falta de refrigeración puede degradar el ADN. En caso de manipular muestras clínicas, tratarlas como si éstas fueran potencialmente infecciosas.

La cantidad de ADN a agregar en la reacción de amplificación dependerá del origen y de la calidad del molde a utilizar. Biotools recomienda cuantificar el ADN mediante espectrometría y utilizar cantidades equivalentes para cada una de las muestras a procesar. Si no conoce la concentración del molde de ADN, agregue un volumen de extracción fijo. El uniformar la cantidad de molde en la reacción permite obtener resultados cuantitativos comparables.

**Concentración de MgCl<sub>2</sub>:** Concentraciones elevadas de MgCl<sub>2</sub> pueden dar lugar a la formación de productos inespecíficos y baja fidelidad de copia; en tanto que una concentración insuficiente puede reducir el rendimiento de la reacción de amplificación. El rango de concentración recomendado es de 4-6 mM; la concentración final de MgCl<sub>2</sub> en la mezcla de reacción, aportada por el **QUANTIMIX EASY MASTER MIX** es de 4 mM, concentración óptima para la mayoría de los ensayos de qPCR. No obstante, el kit contiene un vial de MgCl<sub>2</sub> 50 mM adicional para optimizar su concentración, en caso de ser necesario.

**Diseño de Primers:** Los primers utilizados en la reacción de amplificación poseen usualmente un tamaño de 15-30 nucleótidos con un contenido en G+C de 40-60%. Para evitar la formación de dímeros de primer o de horquillas, los primers no deben de ser complementarios consigo mismos o con otros primers presentes en la reacción. El extremo 5' del primer puede contener bases desapareadas con el ADN molde, sin embargo no es recomendable que esto ocurra en el extremo 3'.

A fin de evitar la formación de dímeros de primers, que interfieren negativamente en la cuantificación, la concentración de primers óptima para ensayos de qPCR con fluoróforos intercalantes suele ser inferior a la utilizada en ensayos de amplificación con sondas específicas. La concentración recomendada se encuentra en el rango de 0.05-0.3 µM.

Al diseñar los primers tener en cuenta que los amplicones para PCR en tiempo real suelen tener un tamaño inferior que los de productos de PCR convencional, usualmente menos de 500 bp. Los mejores resultados de *real time PCR* suelen obtenerse con productos de amplificación entre 100-300 bp.

**Programa de PCR:** Ciertos parámetros de la programación afectan tanto la especificidad como la eficiencia de la amplificación. Estos parámetros incluyen la temperatura y el tiempo de desnaturalización, anillamiento y elongación; velocidad de las rampas; y número de ciclos. Debido al pequeño tamaño de los amplicones de la PCR en tiempo real, los programas de ciclado suelen ser más cortos que los de la PCR convencional. Variaciones en el tamaño del producto de amplificación pueden inducir cambios en el programa de amplificación.

El QUANTIMIX EASY kit contiene una enzima con una baja tasa de error (1-10 x 10<sup>6</sup> bp) y requiere un tiempo de extensión a 72°C superior que el de otras polimerasas.

La temperatura de anillamiento de los primers debe de ser similar con un máximo de 5°C de diferencia entre ellos. Una temperatura de anillamiento muy baja incrementa el riesgo de formación de dímeros de primers y/o productos de amplificación inespecíficos.

Cuando se utiliza fluoróforos intercalantes es esencial realizar una **curva de disociación o melting** a fin de corroborar la especificidad de los productos de amplificación.

## 5. PROTOCOLO ESTÁNDAR

**Materiales que deberán ser aportados por el usuario:**

- Downstream primer
- Upstream primer
- Agua libre de nucleasas

**El flujo de trabajo en el laboratorio debe de ser unidireccional, desde el área de pre-amplificación hacia el área de amplificación. A fin de evitar contaminaciones cruzadas se recomienda utilizar equipamiento específico para cada área de trabajo.**

MANTENER REFRIGERADOS LOS TUBOS DE REACCIÓN hasta su introducción en el termociclador. En caso de trabajar con viales estándares, asegúrese de mantenerlos en hielo o en bloques refrigerados evitando que se mojen las tapas. Si se utilizan tubos capilares, el bloque refrigerante debe refrigerarse durante al menos 4 horas previas a su utilización.

**Trabaje en el área de preparación de reactivos en una cabina de flujo laminar. A fin de evitar contaminaciones o falsos negativos utilice guantes, material plástico estéril y libre de nucleasas y puntas de pipeta con filtro.**

1.- Descongelar y mezclar cuidadosamente los reactivos antes de su dispensación. PROTEGER LOS VIALES DE LA QUANTIMIX EASY MASTER MIX DE UNA EXPOSICIÓN PROLONGADA A LA LUZ.

2.- Si el ensayo es cuantitativo deberán incluirse estándares de concentración conocida para realizar una curva patrón. Se recomienda incluir al menos un control positivo y uno negativo por cada experimento a realizar.

3.- Prepare la *master mix* siguiendo las instrucciones de la TABLA 1. EVITAR UNA EXPOSICIÓN PROLONGADA DE LA MASTER MIX A LA LUZ.

**TABLA 1. Preparación de la Master Mix**

COMPONENTE	Concentración Final	20 µl rxn
<b>2X QUANTIMIX EASY MASTER MIX</b>	1 X	10 µl
50 mM MgCl <sub>2</sub> Solution*	4-6 mM	x µl
Primers	0.05-0.3 µM	x µl
BSA <sup>1</sup>	0.5 mg/ml	x µl
Agua destilada estéril	-	Hasta 20 µl
ADN molde	variable	x µl

\*Sólo necesario para concentraciones de MgCl<sub>2</sub> >4mM

<sup>1</sup>Biotools recomienda la incorporación de albúmina sérica bovina (BSA) en los ensayos de amplificación en tiempo real realizados en los tubos capilares de cristal para el termociclador Roche LightCycler

**Proceda a trabajar en el área de purificación de ADN separada de otras fuentes de ADN.**

Nunca introducir el ADN en la cabina de flujo laminar del área de preparación de reactivos. Es conveniente que la amplificación comience en un plazo máximo de 10 minutos desde que se incorpora el ADN y los primers a la mezcla de amplificación. Colocar todos los reactivos en hielo hasta su introducción en el termociclador.

4.- Añada el ADN molde a cada vial de reacción. Cierre los viales y mezcle cuidadosamente (no utilizar vortex).

5.- Centrifugar brevemente los viales de amplificación.

**Proceda al área de amplificación o PCR**

6.- Coloque los tubos en el termociclador.

7.- Programe el termociclador según la guía de la Tabla 2.

**TABLA 2. Programa de PCR para QUANTIMIX EASY Kit**

PASOS	Nº de Ciclos	Temperatura	Tiempo
<b>Desnaturalización Inicial</b>	1	95-98°C	2-5 min
<b>Desnaturalización Anillamiento Extensión*</b>	30-50	95-98°C	5-10 seg
		2-5°C < T <sub>m</sub> de los primers	5-10 seg
		70-72°C	30-60 seg (20 seg/100 bp)
<b>Adquisición de fluorescencia (ver nota1)</b>	1	T <sub>m</sub> de productos inespecíficos < X < T <sub>m</sub> producto específico	10-15 seg+
<b>Disociación o Melting*</b>	1	60-95°C	Se recomienda realizar una rampa de 0.5 °C/seg

\*Lectura de fluorescencia en el paso de Extensión y Melting.

+El menor tiempo necesario para la lectura de fluorescencia (variable entre termocicladores)

**Nota1:** En caso de aparecer dímeros de primers o productos inespecíficos, incluir un paso adicional de adquisición de fluorescencia después del paso de extensión.

Este protocolo ha sido optimizado para los siguientes equipos de tiempo real: LightCycler (Roche), iCycler (Biorad), SmartCycler I y II (Cepheid), Rotor-Gene 3000 y 6000 (Corbett Research) y ABI PRISM 7500 (Applied Biosystems). Para otros termocicladores puede ser necesario optimizar los parámetros de la reacción. Ante cualquier duda, contacte con nuestro Departamento Técnico (info@biotools.eu).

La interpretación de los resultados se realizará con el software específico del equipo siguiendo las instrucciones y recomendaciones del proveedor.

## 6. SOLUCIÓN DE PROBLEMAS

### Ausencia de amplificación o baja eficiencia de reacción

- 1. Corroborar la calidad y cantidad del ADN.** Corroborar la calidad y cantidad del molde mediante electroforesis en gel de agarosa o por fluorimetría. En caso necesario puede realizarse una extracción orgánica seguida de precipitación con etanol para eliminar inhibidores de la amplificación. Un exceso de ADN puede reducir el rendimiento de la reacción.
- 2. Rediseñar los primers.** Diseñar primers con una temperatura de anillamiento superior y que no formen horquillas y/o dímeros de primers.
- 3. Optimizar la concentración de primers.** Si bien una baja concentración de primers puede evitar la formación de dímeros, una concentración suficiente de los mismos es necesaria para el correcto rendimiento de la PCR. En caso necesario incrementar la concentración de los primers específicos en incrementos de 0.1 µM.
- 4. Incrementar el tiempo de desnaturalización inicial.** Ampliar el tiempo de desnaturalización inicial, especialmente si su molde presenta estructuras secundarias o alto contenido en G+C (no más de 8 min).
- 5. Reducir la temperatura de anillamiento.** Reducir la temperatura de anillamiento en incrementos de 2°C.
- 6. Incrementar el número de ciclos.** Incorporar más ciclos en el programa de amplificación en incrementos de 5 ciclos.
- 7. Ampliar el tiempo de extensión.** Incrementar el tiempo de extensión en incrementos de 30 segundos. Usualmente, 20 seg/100 bp de producto de PCR suelen ser suficientes.
- 8. Corroborar la programación de la etapa de detección.** Confirmar que la etapa de detección de fluorescencia ha sido activada y que la misma tenga lugar en el paso adecuado del programa de amplificación.
- 9. Seleccionar un filtro compatible con el fluoróforo intercalante.** Para termocicladores de tiempo real que posean múltiples canales de detección, corroborar que el filtro activado es compatible con el SYBR® Green I.

### Productos de amplificación inespecíficos o smear

- 1. Reducir la concentración de los componentes de reacción.** Corroborar la concentración de ADN molde mediante electroforesis en gel de agarosa o por fluorimetría. Reducir la cantidad de ADN y/o de primers en la mezcla de reacción.
- 2. Corroborar el estado de los primers.** Corroborar que los primers no se encuentren degradados realizando una electroforesis en gel de acrilamida desnaturalizante.
- 3. Reducir la concentración de primers.** Un exceso de primers favorece la formación de dímeros y/o productos de amplificación inespecíficos a los que también se intercala el SYBR® Green I. Para ensayos de qPCR con fluoróforos intercalantes la concentración de primers recomendada es inferior a la utilizada con sondas específicas (0.05-0.3 µM).
- 4. Rediseñar los primers.** Diseñar primers con una T<sub>m</sub> superior y que no formen horquillas y/o dímeros de primers.
- 5. Incrementar la temperatura de anillamiento.** Utilizar temperaturas de anillamiento superiores, en incrementos de 2°C.
- 6. Reducir el número de ciclos.** Disminuir el número de ciclos del programa de amplificación, en incrementos de 5 ciclos.
- 7. Reducir el tamaño del producto de PCR.** Diseñar nuevos primers que permitan obtener productos de PCR de tamaño entre 100-300 bp.
- 8. Incluir un paso adicional de adquisición de fluorescencia.** Ver Nota 1.
- 9. Realizar curva de melting post-amplificación.** La realización de la curva de *melting* permite confirmar de manera simple la especificidad de la señal de amplificación pudiendo descartar artefactos como dímeros de primers o productos de amplificación inespecíficos.

## 7. INFORMACIÓN PARA PEDIDOS

DESCRIPCIÓN	Tamaño	Referencia
<b>QUANTIMIX EASY MASTER MIX</b>	1100 µl	10.607
	2 x 1100 µl	10.608
	5 x 1100 µl	10.609
	10 x 1100 µl	10.606
<b>50 mM MgCl<sub>2</sub> Solution</b>	1.8 ml	10.607
	1.8 ml	10.608
	1.8 ml	10.609
	1.8 ml	10.606